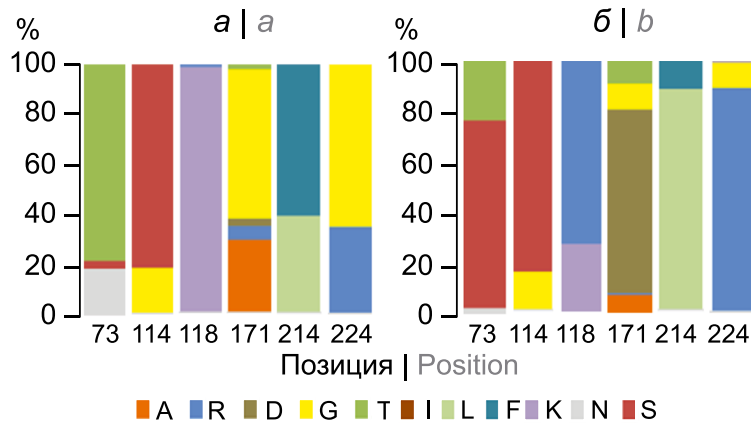


DOI: <https://doi.org/10.36233/0372-9311-395-1>

## Приложение к статье

Ляшко А.В., Руднева И.А., Щербинин Д.Н., Ломакина Н.Ф., Трещалина А.А., Куприянова И.М., Гамбарян А.С., Тимофеева Е.Б., Шилов А.А., Садыкова Г.К., Прилипов А.Г., Тимофеев Б.И., Шмаров М.М., Рязанова Е.Л., Тимофеева Т.А. Потенциал адаптации к млекопитающим вирусов гриппа птиц H7N2 североамериканской линии. Журнал микробиологии, эпидемиологии и иммунобиологии. 2023;100(6):442–453.  
DOI: <https://doi.org/10.36233/0372-9311-395>. EDN: <https://www.elibrary.ru/>



Позиции в NS1, в которых произошли мутации в адаптированном к мышам варианте вируса MA/NJ, и вариабельность в них аминокислот (оси ординат) среди вирусов гриппа птиц подтипа H7, выделенных в разные годы в Северной Америке.

*a* — вирусы подтипа H7N2, выделенные в 1994–2006 гг.;

*б* — вирусы подтипа H7Nx, выделенные в 1994–2022 гг.

Positions in NS1 in which mutations occurred in the mouse-adapted MA/NJ virus variant and the variability of amino acids in them (ordinate) among avian influenza viruses subtype H7 isolated in different years in North America.

*a* — H7N2 subtype viruses isolated in 1994–2006;

*b* — H7Nx subtype viruses isolated in 1994–2022.